

БЕЛУХИ, ЛЕТУЮЩИЕ В ДВУХ РАЙОНАХ ЗАПАДНОЙ ЧАСТИ ОХОТСКОГО МОРЯ – ЕДИНАЯ ГРУППА?

Мещерский И.Г.¹, Шпак О.В.^{1,2}, Andrews R.D.³, Глазов Д.М.¹, Мухаметов Л.М.^{1,2}, Рожнов В.В.¹

¹Институт проблем экологии и эволюции им. А.Н. Северцова РАН, Москва, Россия

²ООО РОЦ «Дельфин и Я», Москва, Россия

³University of Alaska Fairbanks, School of Fisheries and Ocean Sciences and the Alaska SeaLife Center, Seward, AK, USA, molecoldna@gmail.com

Белухи (*Delphinapterus leucas*), летующие в западной части Охотского моря, концентрируются в двух районах: 1) в Сахалинском заливе и Амурском лимане – так называемое амурское летнее скопление (стадо) и 2) в заливах Академии (Николая и Ульбанском), а также Тугурском и Удской губе (Шантарское море) – шантарское скопление. Расстояние по воде между центрами этих районов составляет около 300 км, и вопрос о степени обособленности летующих здесь групп остается дискуссионным (Владимиров, 1994; Мельников, 2001).

Результаты спутникового прослеживания белух, помеченных передатчиками в Сахалинском заливе (2007-2009 гг.), показывают, что осенью многие из них заходят в заливы Академии и некоторое время держатся там, впоследствии откочевывая к северу (Шпак и др., 2008, 2009, 2010). Две белухи со следами от наших меток были обнаружены в заливе Николая и летом (июль 2009 г.). Однако в Тугурский залив и Удскую губу ни одна из отслеживаемых белух не заходила.

Анализ методом кластеризации (реализованным в программе Structure v.2.2 – Pritchard et al., 2000) частотного распределения аллелей 10 микросателлитных локусов, выполненный для 53 белух амурского (2006-2009 гг.) и 12 шантарского (1 образец – 2008 г., 11 – 2009 г.) скоплений не выявляет в пределах общей совокупности какой-либо гетерогенности. Анализ вариантов нуклеотидного состава участка контрольного региона мтДНК (497 нп) у 83 (2004-2009 гг.) «амурских» особей и 12 «шантарских» говорит об отсутствии статистически достоверных различий между двумя этими выборками ($F_{ST}=0.023$, $P=0.17$).

Отличия в частоте встречаемости отдельных гаплотипов в амурской и шантарской выборках являются достоверными, однако не превышают отличий, отмечаемых в самом амурском скоплении в разные годы. Два наиболее часто встречающихся гаплотипа преобладают в обеих выборках, а среди четырех редких вариантов, впервые отмеченных в 2008-2009 гг., два также были встречены в обоих районах сразу.

Таким образом, белухи, летующие в Сахалино-Амурском районе, не избегают заходов в места летовок шантарского скопления, особи двух этих групп, вероятнее всего, составляют единую популяцию и в подавляющем большинстве являются потомками одних и тех же или близких митохондриальных линий. Стабильность различий в распределении отдельных ныне существующих материнских линий по двум районам летовок должна быть уточнена путем оценки встречаемости гаплотипов как в заливах Академии, так и в Шантарском море на протяжении нескольких лет. Однако о том, что «амурских» и «шантарских» белух следует рассматривать как единое стадо западной части Охотского моря, образующее в летнее время отдельные контактирующие между собой скопления, можно говорить с определенностью.

Работа выполнена в рамках Программы изучения распространения и миграций белухи, выполняемой Постоянно действующей экспедицией РАН по изучению животных Красной книги Российской Федерации и других особо важных животных фауны России при поддержке Русского географического общества, а также проекта «Current status of the Sakhalin-Amur beluga aggregation (Okhotsk Sea, Russia): sustainability assessment» (финансирование: Ocean Park Corporation, Hong Kong; Georgia Aquarium Inc., USA; SeaWorld Parks & Entertainment, USA; Mystic Aquarium and Institute for Exploration, USA; Kamogawa Sea World, Japan).